

coverage per chromosome (normalized to chromosome length)										
	H3K4me3	K_crotonylation	H3K9me3	H3K27me3	H3K9ac	H3K27ac	H4K8_hib	H4ac	K_acetylation	5hMC
chrX	<u>0,023</u>	<u>0,023</u>	<u>0,0058</u>	<u>0,00068</u>	0,031	<u>0,006</u>	<u>0,00008</u>	<u>0,010</u>	<u>0,00009</u>	<u>0,0005</u>
chrY	0,031	0,047	<u>0,0170</u>	<u>0,00027</u>	<u>0,023</u>	<u>0,079</u>	<u>0,00011</u>	<u>0,007</u>	<u>0,00016</u>	<u>0,0005</u>
chr3	0,026	0,034	0,0010	0,02800	0,033	0,002	0,00056	0,025	0,00045	0,0228
chr6	0,028	0,036	0,0004	0,02949	0,035	0,003	0,00072	0,028	0,00057	0,0324
chr14	0,040	0,046	<u>0,0078</u>	0,02884	0,043	<u>0,006</u>	0,00080	0,033	0,00039	0,0278
chr16	0,031	0,042	0,0009	0,03061	0,039	0,003	0,00079	0,031	0,00066	0,0325
chr18	0,029	0,037	0,0004	0,03299	0,035	0,002	0,00073	0,028	0,00039	0,0324
genome	0,033	0,042	0,0023	0,032	0,040	0,006	0,00081	0,031	0,00057	0,0380
All chromosomes										
mean	0,034	0,043	0,0024	0,033	0,040	0,007	0,0008	0,031	0,00058	0,039
SD	0,006	0,008	0,0039	0,012	0,007	0,017	0,0003	0,009	0,00022	0,018
95% CI max value	<i>0,045</i>	<i>0,058</i>	<i>0,0100</i>	<i>0,057</i>	<i>0,054</i>	<i>0,039</i>	<i>0,0014</i>	<i>0,049</i>	<i>0,00102</i>	<i>0,075</i>
95% CI min value	<i>0,023</i>	<i>0,028</i>	<i>-0,0053</i>	<i>0,009</i>	<i>0,027</i>	<i>-0,026</i>	<i>0,0002</i>	<i>0,013</i>	<i>0,00014</i>	<i>0,003</i>
Autosomes only										
mean	0,034	0,044	0,0014	0,036	0,042	0,003	0,0009	0,033	0,00063	0,043
SD	0,005	0,007	0,0018	0,006	0,006	0,001	0,0002	0,005	0,00018	0,014
95% CI max value	<u>0,045</u>	<u>0,056</u>	<u>0,0049</u>	<u>0,048</u>	<u>0,053</u>	<u>0,005</u>	<u>0,0013</u>	<u>0,044</u>	<u>0,00097</u>	<u>0,070</u>
95% CI min value	<u>0,024</u>	<u>0,031</u>	<u>-0,0021</u>	<u>0,024</u>	<u>0,031</u>	<u>0,001</u>	<u>0,0005</u>	<u>0,023</u>	<u>0,00028</u>	<u>0,016</u>

Additional file 1